

PROPUESTA DE TRABAJO FIN DE GRADO

GRADO EN QUÍMICA CURSO 2019/2020



PROPUESTA DEL DEPARTAMENTO

DATOS BÁSICOS DEL TFG

TÍTULO TFG	Estudios biofísicos de proteínas ance	strales	
CÓDIGO TFG	QF-19/20-04		
TIPOLOGÍA	A2	Nº ALUMNOS	1

OFERTADO POR	Profesor del Departamento	Х
	Profesor del Departamento junto con Empresa o Institución	

DATOS DE LA ENTIDAD (donde se va a realizar el TFG)

CENTRO (Departamento, institución o empresa)	Departamento de Química Fí	sica, Univers	idad de Granada
DIRECCIÓN POSTAL	Facultad de Ciencias, Avd. Fuentenueva sn		
LOCALIDAD	Granada	C.P.	18071
TELÉFONO	958243331	E-MAIL	beatriz@ugr.es

DATOS DEL TUTOR

TUTOR 1 (Tutor académ	ico en caso de realizar el TFG e	n una empres	a o institución)
APELLIDOS, NOMBRE	Ibarra Molero, Beatriz		
DEPARTAMENTO	Química Física		
CARGO ^(*)	Catedrática		
TELÉFONO	958 240438	E-MAIL	beatriz@ugr.es
TUTOR 2 (Rellenar en ca	aso de haber un segundo tutor)		
APELLIDOS, NOMBRE			
DEPARTAMENTO			
CARGO ^(*)			
TELÉFONO		E-MAIL	
TUTOR DE LA EMPRES	A O INSTITUCIÓN (Rellenar en d	aso de realiz	ar el TFG en una empresa o
APELLIDOS, NOMBRE			
EMPRESA			
TITULACIÓN			
TELÉFONO		E-MAIL	

(*) Catedrático, Profesor Titular, Profesor Contratado Doctor,....

Una vez cumplimentado y firmado deberá ser enviado junto con el resto de propuestas del departamento en formato pdf al correo: gradoquimica@ugr.es. El nombre de cada fichero debe de coincidir con el código del TFG.

MEMORIA DE LA PROPUESTA DE TFG

Introducción.

La reconstrucción de enzimas ancestrales en el laboratorio constituye una herramienta muy poderosa en ingeniería de proteínas debido a las propiedades extremas que presentan en términos de estabilidad y promiscuidad frente a sustrato.

Objetivos.

Tomando como punto de partida tiorredoxinas ancestrales correspondientes a diferentes nodos del árbol filogenético, el alumno llevará a cabo una caracterización cinética del proceso de desplegamiento/replegamiento de algunos nodos relevantes con objeto de caracterizar el estado de transición. Adicionalmente se obtendrá información sobre la estabilidad cinética de estas proteínas.

Resumen de los trabajos a realizar por el estudiante/Plan de trabajo.

El alumno participará en todos los pasos que implica tanto la obtención de una variante proteica de interés como su caracterización biofísica básica: mutagénesis dirigida sobre el gen que codifica para la proteína ancestral original, sobreexpresión y purificación de la variante de interés, determinación de su termoestabilidad y seguimiento de la cinética de desnaturalización/renaturalización. El alumno llevará a cabo el análisis de datos de acuerdo a un modelo apropiado para extraer los parámetros relevantes en cada caso.

Fecha prevista comienzo: Septiembre 2019	Duración prevista (meses): 5 meses
. coma proviota comicinati copinomisio acit	- a. a

Fecha: 23/05/2019

FIRMAS

DIRECTOR DEL DEPARTAMENTO	DIRECTOR DE LA INSTITUCIÓN/EMPRESA
Fdo.: Irene Luque Fernández	Fdo.:
TUTOR 1/TUTOR ACADÉMICO	TUTOR 2/TUTOR DE LA INTITUCIÓN/EMPRESA
TUTOR 1/TUTOR ACADÉMICO	TUTOR 2/TUTOR DE LA INTITUCIÓN/EMPRESA
TUTOR 1/TUTOR ACADÉMICO	TUTOR 2/TUTOR DE LA INTITUCIÓN/EMPRESA
TUTOR 1/TUTOR ACADÉMICO	TUTOR 2/TUTOR DE LA INTITUCIÓN/EMPRESA
TUTOR 1/TUTOR ACADÉMICO	TUTOR 2/TUTOR DE LA INTITUCIÓN/EMPRESA